PFC	Dist to 3' gene	Length	Sequence
$XtrC_{CD}8_{d}$	47	28	AATGTCAGATGGCAATAAACTAGAAGCT
$XtrC_{DE}25$	2,849	63	TTTTATGGTGGTCAGGAAATTGACATTGGTCAAATTCAAGTGCTC TGACTCTCCAGCTGTCTC
$XtrC_{DE}26_{abcde}$	257	255	AAATCTGCAATTGATTTTCATAATGTTTCTGCGGTGTTTGAAAAC CAATCGTTTTTGAACCTCTCTCAGATCTTACCTAAGTGAACCCTC CTACGCATCTAAGTGCTCCGGACTGATATATGGCAATATCTACTG GGGCATCACGTGTTCCTGGGGAGAGACTAAGACGGACAGCGCGT CATCCAGCCATCCCAAATTTTTCCCCCTCTGCAGATCGCCTCCAA AACATCTATCTATAGAGCCAGAAAGGGAGAA
$XtrC_{EF}33$	9,061	59	CATTCTGCTCTTACCTAATTTTGTTTGGCCCAAAGAATGCTACTG TACTTTGTATCCTC
$XtrC_{EF}34$	8,882	21	GTGCACAATTATATAAGTTTA
$XtrC_{EF}35_{ab}$	267	200	CTTTGTTCAACTTTAAGGTCCTTGGGTCTATACCTCACAAAGTCA GATAGATGGCGCTCTTACTCCACGTTCATTTTCCTCCTTTCGACA ACTTGACCCCTGTGACGTCACCTGCGTCTGAATCACCAAGGCCA TTTTCAATCCTCATTGGCTTGGGAGTCACGTGGTGGGGCCAATGC GTGGATAATTATGGTGCTGAT
$XtrC_{FG}36$	9,236	30	TTTGCATGTATTTTCCTTTGTGGAGAAAAA
$XtrC_{FG}38_{a}$	8,986	149	ATAACGTTGATTTAAATATTATCCAGGTGACCACAATAAGTCAA GGTCATAAAACAGTAATGTCAGGACAGTCTTGGTAAGCGCTGGA GGTGGATTTTATGATCTGCAAATATAATGTGCCGCAGCAGTAAA AGATGCATTTAAAGGTG
$XtrC_{FG}40_{abc}$	7,734	74	CAGCTGATCTGTGGTTTAGGTAGTTTCATGTTGTTGGGATTGCTT TTTCTTAACGCGGCAACAAGAAACTGCCT
$XtrC_{FG}48$	4,580	37	ATTGGGTCATTAAAAACAAAAAGGAGGTAAAAGGCGT
$XtrC_{FG}49$	1,874	29	GGGGAAAGAAGCATGGATCAGCTGCTGAA
$XtrC_{FG}50_{a}$	826	12	TTTATGAACAAT
$XtrC_{FG}51$	294	26	ATGGGTGCACAGGCAGAGCCCAGATG
$XtrC_{FG}52_{bc}$	154	141	TTTTTGGGTAAATACAATCACGTGGGACGCGAGAGCCAATGACA AGCGTGAAAGGCTGAAAAAATAATTACCTGCCCTGATTGTTCTA TGAGCAGATAAAAAGTACACATACAGTTCATACAATAATCTTAT GAATGTAAA
$XtrC_{GH}55$	3,420	142	GTTTGTCTCACTCATGTGTGTGTCTTTGAATGGATGTGAACAAAA CAAGACCATAGGACTGGCTAGACGTCTGGCTTTAATTGTTTTATG GTTTAAATAAGGTGCATACTCTGCTCTTTGAAACGGAATTATTGG AATGTTT
$XtrC_{HJ}67_{b}$	9,009	27	AATTTACAGCTGGGCAATAAAAGTTTA
$XtrC_{HJ}78$	194	170	GGGAATCAACACAAGCAAAACCAATTTTTCCCTTTCTTGACATCT CGCCTCCTATTGGCTCCAAGTGGGTCAGCTGACTTTGTCATTTTG TCTGTCCTGGATTGGAGCCGTCCCTATAACAATCTAGTTCAGACT ACAAACTGGAGACAGAAATAAATATTAAAGAAATC
$XtrC_{KL}87_{abcd}$	36,678	205	AGGTTATTTATGTGAATGGCCCTAAGGAAAGGCCCTGAATGGCT CTCACGGAGCACGTGATGTCATTAAAGTAAGTTTTATGGTTTGGG GGAGCTGACAAAGCTACAATGTATTTACATCATATATAATCTTA ACTGTCCACCATCGCAGCTGCCGGGTCTCTTTAATGCTGGGACA GTGGGACAAGGCACTTAGTGTGGATTAC

			ACATTATAACTAGTTATTGAACTAGCTCTGAGATCTAAAGGCCAT
			TTGTGCTGAGACAGATTTCAATGGAGTTTGCCCATCAATAATCTT
			TGGCAGTGACCTATTGGTGGAAGTCAAGCAACCGAGGTGAAATT
$XtrC_{KL}99_{ab}$	4,718	163	CAGGTCACGCTGTCTAACCGGTATTAAAA
			TCACAGGACCAACTGACATAGTGGGGTAACCCATAGTTATAGGA
$XtrC_{KL}100$	2,806	56	TTGTTTGGGAGA
			GCAGCCACCGCAACGAGCAGGTCCCAACCAGTGCAAAGACTCT
			AAACCATTCCTCCTGCTTGATTTATGGCTTTTTACTGCCCTATAA
			AAGCTGTTACAAGGAACCTAAGCCTGCAACACCGCTGGCACATT
			TAGGCTAATAAATAAAACATAAACAGCTAACTTTATGTGTCACT
			TTTATTGTTATCAAATAAAATATTGCATTGCCCCTGCAAGCTATG
$XtrC_{KL}101$	1,805	257	ATTCCGTGCTATAATTGTTATCAAGCAGAACAAGGG
			GGTTCCTTATCCGGGGACCTGAGCGCACGTTGTGATTGGCTGGA
			GGAGTCACATGGTGAAAGTAACTTTACGGGGTCGCCAGCTAGTA
			GGAGGGCTTTATGGAGCAGAAAAACGACAAAGCGAGAAAAATT
$XtrC_{KL}102$	156	151	ATTTTCCACTCCAGAAATTA